**Дорогие коллеги**,

наши коллеги, д.б.н., профессор Долгих Дмитрий Александрович (Биологический факультет МГУ имени М.В. Ломоносова, Институт биоорганической химии им. академиков [М.М. Шемякина](http://www.ibch.ru/about/history/personalia/740) и [Ю.А. Овчинникова](http://www.ibch.ru/about/history/personalia/738) [Российской академии наук](http://www.ras.ru/), Москва) и к.х.н. Петровская Лада Евгеньевна (ИБХ РАН) приглашают вас опубликовать свои работы в специальном выпуске **"State-of-Art in Protein Engineering"** журнала “**Biomolecules**” (<https://www.mdpi.com/journal/biomolecules>) (IF 4.082).

Biomolecules – международный рецензируемый журнал открытого доступа, индексируемый в Web of Science, Scopus и PubMed. Импакт-фактор (2019) составляет 4,082, журнал относится r 1 квартилю (Q1) по версии Scopus и ко 2 квартилю (Q2) по версии WoS.

Article Processing Charge (APC) в размере 2000 CHF (Swiss Francs) взимается за каждую принятую по итогам рецензирования статью. Однако в ряде случаев возможно применение скидок.

Срок подачи - до 15 августа 2021 год

Подробную информацию можно найти на сайте https://www.mdpi.com/journal/biomolecules/special\_issues/protein\_engineering\_

**Обращение редакторов к авторам:**

Уважаемые коллеги!

В журнале “**Biomolecules**” готовится специальный выпуск на тему "Современные достижения в области белковой инженерии"(**"State-of-Art in Protein Engineering"**).

Белковая инженерия – область молекулярной биологии и биотехнологии, направленная на модификацию природных белковых структур для получения молекул с измененными или новыми структурными свойствами и/или биологическими функциями для использования в научных исследованиях, медицине, сельском хозяйстве и промышленности. На протяжении последних лет большое количество модифицированных природных и разработанных de novo белов было получено и исследовано с использованием как методов рационального дизайна, так и направленной эволюции. Рациональный дизайн основан на понимании молекулярной структуры и структурно–функциональных взаимосвязей для получения новых белков c желаемыми свойствами. Методы направленной эволюции позволяют проводить отбор нужных вариантов среди большого разнообразия искусственно полученных последовательностей, таким образом имитируя естественные эволюционные процессы. Оба подхода дополняют друг друга и широко используют вычислительные методы, включая технологии искусственного интеллекта. Современная белковая инженерия включает в себя модификацию стабильности белков, их лиганд-связывающих свойств, активности и специфичности ферментов; дизайн de novo; улучшение терапевтических свойств лекарственных препаратов белковой природы и т.д. Оригинальные рукописи и обзоры, касающиеся любого аспекта белковой инженерии, приветствуются для включения в Специальный выпуск.

С возникающими вопросами можно обращаться к Д.А.Долгих ([dolgikh@nmr.ru](mailto:dolgikh@nmr.ru)) или к Л.Е.Петровской (lpetr65@yahoo.com).